Биология в ЛНФ:

от модельных систем до биологических

(то, что я помню)

ГЛУБОКАЯ БЛАГОДАРНОСТЬ ЛНФ, ВСЕМ ВАМ МОИМ ДОРОГИМ КОЛЛЕГАМ,

ЗА ВОЗМОЖНОСТЬ РАБОТАТЬ С ВАМИ

НАЧАЛО 1978 ГОД

• Строительство и подготовка к запуску ИБР- 2

• Группа Толи Балагурова и шанс реализовать мечту – заняться

биологическими исследованиями

• Дифрактометр ДН-2 и нейтронная кристаллографии

Илья Михайлович Франк



Школа в Алуште



Дифрактометр ДН-2 и нейтронная кристаллографии белков

• Лучшие кристаллы миоглобина из Пущино и всего несколько дифракционных рефлексов

• Что делать?

• Предложения Толи Балагурова по возможным направлениям исследований на ДН-2

• Липидные мембраны

Исследование структуры мембран с помощью дифракции

• Новое направление исследований в ЛНФ и странах участницах ОИЯИ:

Павел Балгави и Университет Братиславы, Годдард Клозе Бернд Кениг и Университет Лейпцига), включая СССР (Лев Ягужинский и Институт Владимира Скулачева МГУ; Генрих Берестовский и Владимир Ивков и Институт Биофизики в Пущино; Иван Василенко, Владимир Чупин и МИТХТ; Юрий Чизмаджев, Алексей Корнышев и Институт Электрохимии

и другие

- Исследования на ДН-2 и ЮМО
- Решен ряд фундаментальных проблем в этой области. К сожалению, основные результаты еще будут опубликованы

Первые студенты, аспиранты и сотрудники

• Ахмед Исламов

• Вадим Черезов

• Александр Куклин

Почему эти исследования были/есть важны?

• Важность мембран:

- 1) Без мембран нет клеток и следовательно нет жизни
- 2) Мембраны также идеальный объект для физики

• Важность нейтронов для мембран: Мембраны идеальный биологический, физический объект для нейтронов

Биологические мембраны – это не только липиды

• Мембранные белки основные функциональные элементы клеток;

• И хотя они составляют только тереть от всех белков человека, они настолько важны для жизни, что большинство лекарств имеют своими мишенями именно мембранные белки.

А что же с изначальной надеждой на ДН-2?

ЛНФ внесла/вносит значительный вклад (несомненно мирового уровня)
в структурную биологию белков

Три ключевых направления в мировой науке, где те, кто вышел из ЛНФ, внесли/вносят решающие вклады

Первое направление:

- Вадим Черезов и Г-белок связанные рецепторы (GPCRs)
- GPCRs мембранные белки самый большой класс рецепторов и 30-40% лекарств имеют своими мишенями GPCRs белки
- Вадим Черезов первым получил структуру GPCRs (Cherezov et al. **Nature**, 2007; Rosenbaum, Cherezov et al. **Nature**, 2007)
- Нобелевская премия 2012

Сенсоры двух компонентной системы (TCS)

- TCS основная сигнальная система в природе. Практически все микроорганизмы используют ее и существуют благодаря ей
- TCS отсутствует у животных. Поэтому разработка лекарств, блокирующих патогенные бактерии через воздействие на TCS, считается альтернативой антибиотикам
- Мы решили структуры рецепторов TCS (эти мембранные рецепторы первые компоненты TCS) (Gordeliy *et al. Nature* 2002; Mukhametzianov *et al. Nature* 2006; Gushchin *et al. Science*, 2017)

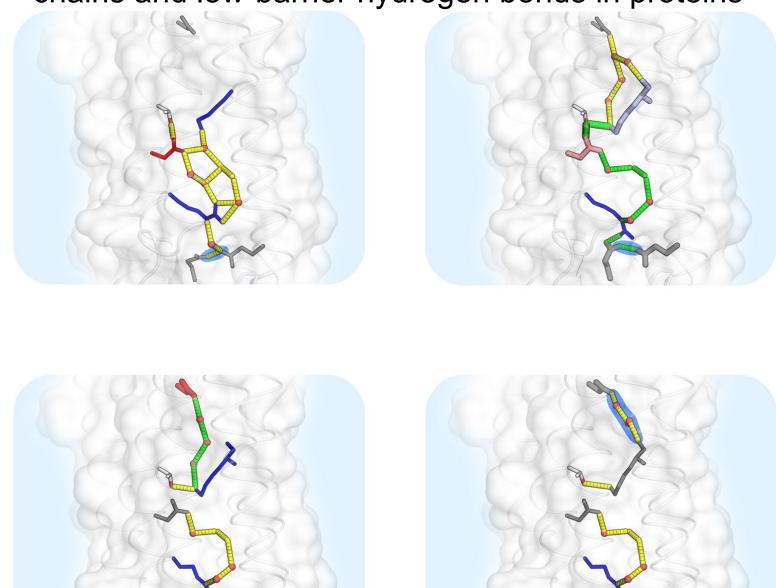
Rhodopsins



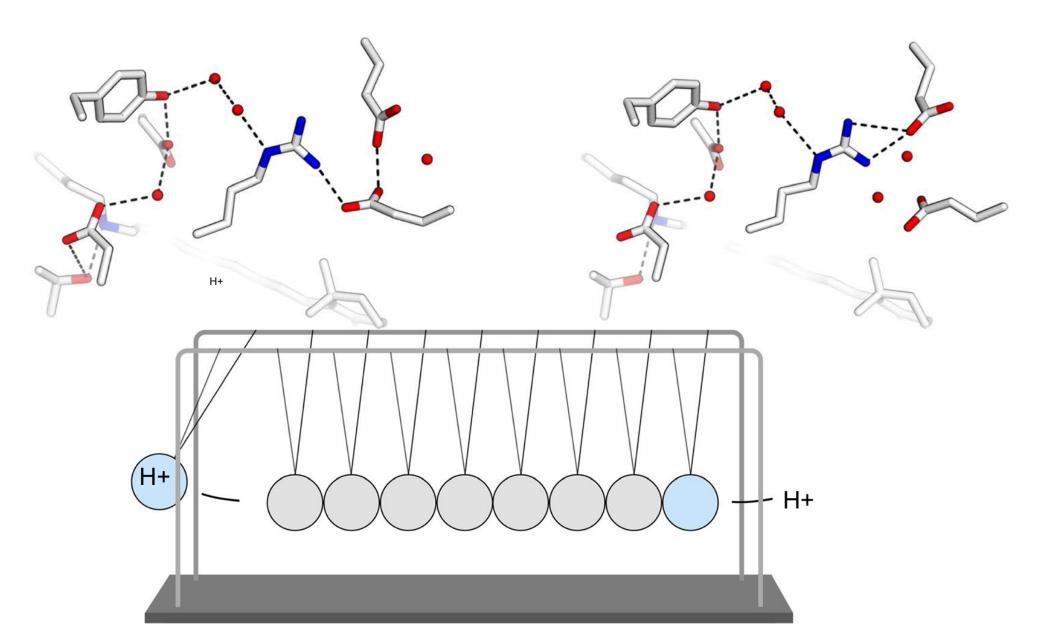
Механизм реакций с переносом протонов

- Бактериородопсин (БР) мембранная протонная помпа;
- БР начало и парадигма в исследовании мембранных белков вообще и молекулярного механизма транспорта протонов в частности;
- Установление механизма работы этого белка была в центре ведущих лабораторий мира;
- Mного Nature работ по этому одному белку, но так и не был установлен механизм;
- Нобелевская премия 2017 года хотя и не за бактериородопсин, но сильно ему обязана;
- Мы недавно сильно и принципиально продвинулись в раскрытии механизма (Borshchevskiy et al. Nature Structural and Molecular Biology, 2022)
- И мы сейчас пытаемся понять насколько установленный механизм универсален, понять еще более значимое за этим стоит. И мы уже знаем ответы на эти вопросы (Kovalev *et al.* To be published; Bukhdrueker *et al.* Manauscript in preparation)

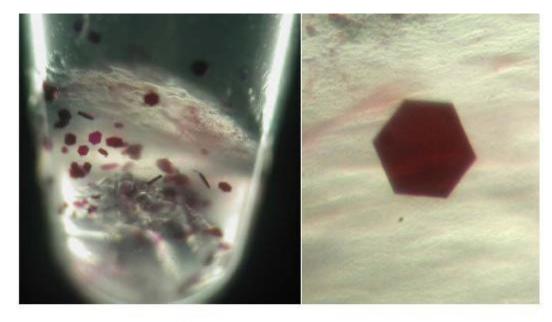
True-atomic-resolution insights into the structure and functional role of linear chains and low-barrier hydrogen bonds in proteins

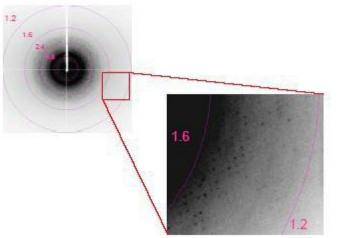


Маятник Максвелла



Возврат к началу: Нейтронная кристаллография





- 1. Borshchevskiy V et al., (2022) Nat. Struct. Mol. Biol., 29(5):440-450.
- 2. Kovalev K et al., (2020) Proc. Natl. Acad. Sci. U. S. A., 117(8), 4131–4141.
- 3. Kovalev K *et al.,* (2020) *Nat. Commun.,* 11(1), 2137.
- 4. Zabelskii D *et al.*, (2020) *Nat. Commun.*, 11(1), 5707.
- 5. Alleva C *et al.*, (2020) *Sci. Adv.*, 6(47), 5. Bratanov D *et al.*, (2019) *Nat. Commun.*, 10(1), 4939.
- 6. Kovalev K *et al.*, (2019) *Sci. Adv.*, 5(4), eaav2671
- 7. Luginina A *et al.*, (2019) *Sci. Adv.*, 5(10), eaax2518.
- 8. Gusach A et al., (2019) Nat. Commun., 10: 5573.
- Gushchin I et al., (2017) Science 356(6342), eaah6345.
- 11. Melnikov I *et al.*, (2017) *Sci. Adv.*, 3(5), e1602952.
- 12. Volkov O et al., (2017) Science 358(6366), eaan8862.
- 13. Arzumanyan G et al., (2016) J. Am. Chem. Soc., 138(41), 13457–13460.
- ^{14.} Gushchin I *et al.*, (2015) *Nat. Struct. Mol. Biol.*, 22(5), 390–395.
- 15. Nogly P et al., (2014) Nat. Commun., 5, 4169.
- 16. Gushchin I *et al.,* (2013) *Proc. Natl. Acad. Sci. U. S. A.* 110(31), 12631-12636.
- 17. Moukhametzianov R et al., (2006) Nature 440(7080), 115–119.
- 18. Gordeliy V *et al.,* (2002) *Nature* 419(6906), 484–487.
- 19. Astashkin R et al. (2022) Nature Communications, Accepted
- 20. Kovalev et al. (2022) Nature Struct. and Mol. Biol., under revision